

SEQUENCE LISTING

<110> El-Gewely, Mohamed Raafat
 El-Gewely, Mohamed Raafat
 Gardner, Rebecca

<120> Methods of screening molecular libraries and active molecules
 identified thereby

<130> MBHB-04-585 (59.68.75763/001)

<150> PCT/GB03/00291
 <151> 2003-01-03

<160> 51

<170> PatentIn version 3.3

<210> 1
 <211> 21
 <212> PRT
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> secretion signal peptide

<220>
 <221> UNSURE
 <222> (1)..(21)
 <223> secretion signal peptide

<400> 1

Met Glu Thr Asp Thr Leu Leu Leu Trp Val Leu Leu Leu Trp Val Pro
 1 5 10 15

Gly Ser Thr Gly Asp
 20

<210> 2
 <211> 49
 <212> PRT
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> transmembrane domain

<220>
 <221> UNSURE
 <222> (1)..(49)
 <223> transmembrane domain

<400> 2

Ala Val Gly Gln Asp Thr Gln Glu Val Ile Val Val Pro His Ser Leu
 1 5 10 15

Pro Phe Lys Val Val Val Ile Ser Ala Ile Leu Ala Leu Val Val Leu
 20 25 30

Thr Ile Ile Ser Leu Ile Ile Leu Ile Met Leu Trp Gln Lys Lys Pro
 35 40 45

Arg

<210> 3
 <211> 5
 <212> PRT
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> peptide derivative

<220>
 <221> VARIANT
 <222> (1)..(5)
 <223> peptide derivative

<400> 3

Met Gly Trp Cys Thr
 1 5

<210> 4
 <211> 190
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> vector

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(190)
 <223> vector

<220>
 <221> variation
 <222> (1)..(190)
 <223> n= A, C, G or T in equal molar ratio

<220>

<221> variation
 <222> (1)..(190)
 <223> k= G or T in equal molar ratio

 <400> 4
 ttgacgcaaa tgggcggtag gcgtgtacgg tgggaggtct atataagcag agctcggtta 60
 gtgaaccgtc agatctctag aagctgggta ccagctgcta gcaagcttgc tagcggccgc 120
 tcgaggccgg caaggccgga tccagacatg ataagataca ttgatgagtt tggacaaacc 180
 acaactagaa 190

<210> 5
 <211> 70
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> vector

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(70)
 <223> vector

<220>
 <221> variation
 <222> (1)..(70)
 <223> n= A, C, G or T in equal molar ratio

<220>
 <221> variation
 <222> (1)..(70)
 <223> k= G or T in equal molar ratio

<400> 5
 aagagctcgg taccaagaag gagtttacat atgggannkn nknnktgata aggatccaag 60
 cttgaattca 70

<210> 6
 <211> 23
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> synthetic sequence

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(23)
 <223> synthetic sequence

<400> 6	
aagagctcgg taccaagaag gag	23
<210> 7	
<211> 25	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> synthetic sequence	
<220>	
<221> misc_feature	
<222> (1)..(25)	
<223> synthetic sequence	
<400> 7	
ctgaattcaa gcttggatcc ttatc	25
<210> 8	
<211> 20	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> primer	
<220>	
<221> misc_feature	
<222> (1)..(20)	
<223> primer	
<400> 8	
agagctcgtt tagtgaaccg	20
<210> 9	
<211> 20	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<220>	
<223> primer	
<220>	
<221> misc_feature	
<222> (1)..(20)	
<223> primer	
<400> 9	
gtggtttgtc caaactcatc	20

<210> 10
<211> 55
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> library sequence

<220>

<221> misc_feature
<222> (1)..(55)
<223> library sequence

<400> 10
ggtaccaaga aggagtttac atatgggatg gtgtacttga taaggatcca agctt 55

<210> 11
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(20)
<223> primer

<400> 11
ctacctcagg cagctcaagc 20

<210> 12
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(20)
<223> primer

<400> 12
agacagcacc ctcacatgc 20

<210> 13
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(20)
<223> primer

<400> 13
tggtgctcat cttaatggcc

20

<210> 14
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(20)
<223> primer

<400> 14
tgacaaaacc taacttgcg

20

<210> 15
<211> 26
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(26)
<223> primer

<400> 15
aagcagtggg aacaacgcag agtact

26

<210> 16
<211> 23
<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> primer

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(23)

<223> primer

<400> 16

aagcagtggg aacaacgcag agt

23

<210> 17

<211> 34

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> primer

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(34)

<223> primer

<400> 17

atctaagctt gaggcttcag cccgggaatt ccag

34

<210> 18

<211> 34

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> primer

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(34)

<223> primer

<400> 18

atctaccggg gccagcagtg gcgccgtcca acag

34

<210> 19

<211> 31

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> primer

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(31)

<223> primer

<400> 19

aataacccgg gtcgccacca tggtagcaa g

31

<210> 20

<211> 34

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> primer

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(34)

<223> primer

<400> 20

aataatctag aacttgata gctcgtccat gccg

34

<210> 21

<211> 22

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> primer

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(22)

<223> primer

<400> 21

tcgtaaatca ctgcataatt cg

22

<210> 22

<211> 22

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> primer

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(22)
 <223> primer

 <400> 22
 gtccataccc tttttacgtg aa 22

 <210> 23
 <211> 22
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> primer

 <220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(22)
 <223> primer

 <400> 23
 gattagcgga tcctacctga cg 22

 <210> 24
 <211> 22
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> primer

 <220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(22)
 <223> primer

 <400> 24
 gccaggcaaa ttctgtttta tc 22

 <210> 25
 <211> 24
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> primer

 <220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(24)

<223> primer

<400> 25

tcaggtcggg aattatcgca ttat

24

<210> 26

<211> 24

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> primer

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(24)

<223> primer

<400> 26

tcgccgtaat ggctagtcac atcc

24

<210> 27

<211> 20

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> primer

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(20)

<223> primer

<400> 27

taatacgact cactataggg

20

<210> 28

<211> 17

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> primer

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(17)

<223> primer

<400> 28

attaaccctc actaaag

17

<210> 29
<211> 24
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<220>

<221> misc_feature
<222> (1)..(24)
<223> primer

<400> 29
cgattacgcg tgaatctaac agcc

24

<210> 30
<211> 24
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(24)
<223> primer

<400> 30
ggctgtaga ttcacgcgta atcg

24

<210> 31
<211> 25
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(25)
<223> primer

<400> 31
cctgatgctg atgccagatg agcgc

25

<210> 32
<211> 25
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(25)
<223> primer

<400> 32
gcgctcatct ggcacagca tcagg

25

<210> 33
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(20)
<223> primer

<400> 33
gataatgtgc gcgtcgaata

20

<210> 34
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(20)
<223> primer

<400> 34
tttgcggaaa cgcagatcgt

20

<210> 35

<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(20)
<223> primer

<400> 35
gtgtcgcctt tattcccttt 20

<210> 36
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(20)
<223> primer

<400> 36
ggcacctctc tcagcgatct 20

<210> 37
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(20)
<223> primer

<400> 37
agcgaatacg tcttccgtca 20

<210> 38
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(20)
<223> primer

<400> 38
gatggctggt ttccatcagt

20

<210> 39
<211> 21
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> library sequence

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(21)
<223> library sequence

<400> 39
atgggttttt ggaggtgata a

21

<210> 40
<211> 5
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> library sequence

<220>
<221> UNSURE
<222> (1)..(5)
<223> library sequence

<400> 40

Met Gly Phe Leu Arg
1 5

<210> 41
<211> 5
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> library sequence

<220>
<221> UNSURE
<222> (1)..(5)
<223> library sequence

<400> 41

Met Gly Phe Trp Arg
1 5

<210> 42
<211> 71
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(71)
<223> primer

<220>
<221> variation
<222> (1)..(71)
<223> N= A, T, G or C

<220>
<221> variation
<222> (1)..(71)
<223> K= G or T

<400> 42
aagagctcgg taccaagaag gagtttacat atgggannkn nknnktgata aggatccaag 60
cttgaattca g 71

<210> 43
<211> 23
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(23)
 <223> primer

 <400> 43
 aagagctcgg taccaagaag gag 23

 <210> 44
 <211> 25
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> primer

 <220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(25)
 <223> primer

 <400> 44
 ctgaattcaa gcttggatcc ttatc 25

 <210> 45
 <211> 20
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> primer

 <220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(20)
 <223> primer

 <400> 45
 agagctcggt tagtgaaccg 20

 <210> 46
 <211> 20
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

 <220>
 <223> primer

 <220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(20)
 <223> primer

<400> 46
gtggtttgtc caaactcatc 20

<210> 47
<211> 23
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(23)
<223> primer

<400> 47
aagagctcgg taccaagaag gag 23

<210> 48
<211> 25
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(25)
<223> primer

<400> 48
ctgaattcaa gcttggatcc ttatc 25

<210> 49
<211> 25
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> library sequence

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(25)
<223> library sequence

<400> 49
caagcttgct agcagctggt accca 25

<210> 50
<211> 84
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> library sequence

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(84)
<223> library sequence

<400> 50
cctcgagctg ccgctagcaa gcttggatcc ttatcaagta caccatccca tatgtaaact 60

ccttcttggg acccagcttc taga 84

<210> 51
<211> 5
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> peptide

<220>
<221> PEPTIDE
<222> (1)..(5)

<220>
<221> VARIANT
<222> (1)..(5)
<223> X= G or M or V

<400> 51

Met Xaa Trp Cys Thr
1 5